



Spotkanie - 15 listopada 2018 r. | Warszawa

Edu-SEQ  
OpenExome

## Dzień aplikacyjny illumina

Szanowni Państwo,

OpenExome, Analityk oraz Illumina, Inc. zapraszają na kolejne spotkanie wszystkich użytkowników systemów Illumina. Dzień aplikacyjny odbędzie się w Warszawie 15-ego listopada br.

illumina®



---

Termin i szczegóły spotkania

**Czwartek, 15 listopada 2018 r.**  
**Aula C 10:00-15:50**

**Centrum Nauk Biologiczno-Chemicznych**  
**Uniwersytetu Warszawskiego**  
**(wjazd od strony ul. Banacha jak na Wydział Biologii UW)**  
**ul. Żwirki i Wigury 101**  
**02-089 Warszawa**

---

**Program spotkania:**

9:30-10:00 - kawa, herbata

10:00-11:00

**Jeroen Adema,**

Senior Sales Specialist, Oncology, Illumina, Inc - Simplify and maximize your routine by NGS.

11:00-11:45

**dr hab. Dorota Hoffman-Zacharska, dr Paulina Gróka-Skoczylas,**

Zakład Genetyki Medycznej, Instytut Matki i Dziecka, Warszawa - Problemy diagnostyki celowanej NGS chorób neurologicznych o heterogennym podłożu genetycznym na przykładzie wczesnodziecięcych encefalopatii padaczkowych.

11:45-12:15

**mgr Victor Murcia-Pieńkowski,**

Zakład Genetyki Medycznej, Warszawski Uniwersytet Medyczny - Płytkie sekwencjonowanie genomowe typu Mate Pair, przykłady wykorzystania i analizy danych.

12:15-12:45

**mgr Dariusz Kamola,**

Laboratorium Genetyki Bydła, Polska Federacja Hodowców Bydła i Producentów Mleka, Parzniew - Agrigenomika - czyli Illumina pod polską strzechą.

12:45-13:30 Lunch

13:30-14:30

**Clotilde Teiling,**

Senior Market Development Manager, Microbiology, Illumina, Inc. - Microbiology: From targeted approach to complex Samples, the Microbiome and its effect on Health.

14:30-14:50

**dr hab. Łukasz Łaczmański,**

Międzyzakładowa Pracownia Analizy Instrumentalnej i Preparatyki, Instytut Immunologii i Terapii Doświadczalnej im. Ludwika Hirszfelda PAN, Wrocław - Historia *Streptomyces osmaniensis* czyli sekwencjonowanie *de novo* trudnych genomów.

14:50-15:20

**dr Karol Perlejewski,**

Zakład Immunopatologii Chorób Zakaźnych i Pasożytniczych, Warszawski Uniwersytet Medyczny - Metagenomika - założenia, procedura, analiza danych na podstawie własnych doświadczeń.

15:20-15:40

**mgr Jan Gawor,**

Pracownia Sekwencjonowania DNA i Syntezy Oligonukleotydów, Instytut Biochemii i Biofizyki, PAN, Warszawa - Good practices in bacterial genome sequencing on Illumina platform.

15:40-15:50 Podsumowanie

Ze względu na praktyczny charakter spotkania zmianie może ulec czas trwania poszczególnych elementów programu.

Tak, chcę wziąć udział

---

---

Zgodnie z ustawą o świadczeniu usług drogą elektroniczną (Dz. U. z 2002 r. Nr 144, poz. 1204 z późn. zm.) wyrażam zgodę na otrzymywanie od OpenExome spółka cywilna, z siedzibą w Warszawie („Administrator danych”) na podany przeze mnie adres e-mail informacji o charakterze marketingowym przez Administratora danych (w tym o szkoleniach i wydarzeniach branżowych).

Informacja o Administratorze danych oraz celu przetwarzania danych znajduje się na stronie [www.openexome.pl/kontakt](http://www.openexome.pl/kontakt)

---

---

**community@openexome.pl**

OpenExome s.c. | Ul. Żwirki i Wigury 101 lok. 5.22 | 02-096 Warszawa | (+48) 22 552 67 16

Kliknij, aby się wypisać